



PÔLES TECHNIQUES

PÔLE INFORMATIQUE

SIBERCHICOT Aurélie

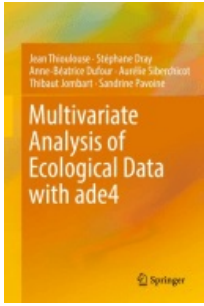
INGÉNIEURE DE RECHERCHE

UCBL

📍 43 bd du 11 novembre 1918
69622 VILLEURBANNE cedex (<http://maps.google.com/maps?q=43%20bd%20du%2011%20novembre%201918+69622+%20VILLEURBANNE%20cedex>)
📞 33 04 72 44 85 98

@ [Courriel](#)

Université Claude Bernard Lyon 1 - Bâtiment Grégor Mendel - Étage 1 - Bureau 51 (11.051)



En tant qu'**ingénieure logiciel**, mon activité consiste à concevoir, développer, déployer et maintenir des outils d'analyse de données biologiques. Experte du langage et logiciel **R**, je suis responsable de nombreux **packages R** disponibles sur CRAN, Bioconductor, GitHub et GitLab et d'applications web développées avec le package **shiny**. Je suis ponctuellement mais régulièrement associée à des **formations** et à des modules d'enseignements, et partage, à ces occasions, mes connaissances et mon expérience concernant la **reproductibilité de la recherche** et les **bonnes pratiques de développement**.

➤ GitHub :

[aursiber](#) 

➤ ORCID :

[0000-0002-7638-8318](#) 

➤ HAL : aurelie-siberchicot

➤ [Google Scholar](#) 

Ecologie Evolutive

- **ade4** (Multivariate data analysis and graphical display) :

[CRAN](#) ↗

—

[GitHub](#) ↗

—

[book](#) ↗

- **ade4TkGUI** (A Tcl/Tk GUI for some basic functions in the ade4 package) :

[CRAN](#) ↗

—

[GitHub](#) ↗

- **adegraphics** (Graphical functionalities for the representation of multivariate data) :

[CRAN](#) ↗

—

[GitHub](#) ↗

—

[article](#) ↗

—

[talk](#) ↗

- **CINID** (Package on the Curculionidae INstar IDentification) :

[CRAN](#) ↗

—

[article](#) ↗

- **Interatrix** (Compute Chi-Square Measures with Corrections) :

[CRAN](#) ↗

—

[article](#) ↗

- **OnAge** (Implements a likelihood ratio test of differential senescence onset between two groups) :

[CRAN](#) ↗

—

[web \(https://lbbe.univ-lyon1.fr/fr/onage\)](https://lbbe.univ-lyon1.fr/fr/onage)

- Analyse de données issues du *International Tiger Studbook* et du *International and North American Regional Studbooks for Ruffed Lemurs* –
[article](#) ↗
–
[article](#) ↗
- *AGEX*(ANR-15-CE32-0002-01, 2015-2019) –
[article](#) ↗
- *Potenchêne*(GIP-ECOFOR, 2014-2018) –
[article](#) ↗
- *CoCoReCo*(JC09-470585, 2009-2012) –
[article](#) ↗
- *DL Vitis*(ANR-08-GENM-0002, 2008-2011) –
[article](#) ↗
–
[CRAN](#) ↗

Ecotoxicologie

- **GUTS-predict** (General Unified Threshold Model of Survival) :
[shiny app](#) ↗
- **rbioacc** (Inference and Prediction of Toxicokinetic (TK) Models) :
[CRAN](#) ↗
–
[GitHub](#) ↗
–
[article](#) ↗

Bioinformatique

› **DRomics** (Dose Response for Omics) :

[CRAN](#) 

—

[GitHub](#) 

—

[shiny app](#) 

—

[web \(https://lbbe.univ-lyon1.fr/fr/dromics\)](https://lbbe.univ-lyon1.fr/fr/dromics)

—

[article](#) 

—

[IFB cloud appliance](#) 

› **kissDE** (Retrieves Condition-Specific Variants in RNA-Seq Data) :

[Bioconductor](#) 

—

[GitHub](#) 

› **LDcorSV** (Linkage Disequilibrium Corrected by the Structure and the Relatedness) :

[CRAN](#) 

—

[article](#) 

› **MareyMap** (Estimation of Meiotic Recombination Rates Using Marey Maps) :

[CRAN](#) 

—

[GitHub](#) 

—

[web \(https://lbbe.univ-lyon1.fr/fr/mareymap\)](https://lbbe.univ-lyon1.fr/fr/mareymap)

—

[shiny app](#) 

—

[article](#) 

› **phylter** (Detect and Remove Outliers in Phylogenomics Datasets) :

[CRAN](#) 

—

[GitHub](#) 

Statistiques et analyse de données

- **fitdistrplus** (Help to Fit of a Parametric Distribution to Non-Censored or Censored Data) :

[CRAN](#) 

—

[GitHub](#) 

—

[web \(https://lbbe.univ-lyon1.fr/fr/fitdistrplus\)](https://lbbe.univ-lyon1.fr/fr/fitdistrplus)

- **Mondrian** (A Simple Graphical Representation of the Relative Occurrence and Co-Occurrence of Events) :

[CRAN](#) 

—

[GitHub](#) 

—

[shiny app](#) 

- **nlMicrobio** (Nonlinear Regression in Predictive Microbiology) :

[CRAN](#) 

—

[GitHub](#) 

- **nlstools** (Tools for Nonlinear Regression Analysis) :

[CRAN](#) 

—

[GitHub](#) 

Services

- **serveur shiny** :

<http://lbbe-shiny.univ-lyon1.fr> 

- site web d'Enseignements de Statistique en Biologie :

<http://pbil.univ-lyon1.fr/R/> 

Comité d'organisation et de programme

- *Preditox*, École thématique Rovaltain,
[2020](#)
- ,
- [2021](#)
- &
- [2023](#)
- , Lyon (comité scientifique)
- [7èmes Rencontres R](#)
- , Conférence, juillet 2018, Rennes (comité de programme)
- [R pour le calcul](#)
- Action Nationale de Formation CNRS, octobre 2015, Aussois (co-organisatrice)
- [2èmes Rencontres R](#)
- , Conférence, juin 2013, Lyon (comité d'organisation) –
[article](#)

Formations et enseignements

- *Bonnes pratiques pour une recherche reproductible en écologie numérique*, FRB-Cesab et Gdr Ecostat
- *UE Bases Informatiques*, M1
[Biodiversité, Écologie et Évolution](#)
- , Université Lyon 1
- [Les bases du langage R](#)
- , École Doctorale Université Savoie Mont Blanc
- *UE Visualisation de Données Biologiques*, M2
[Bio-informatique](#)
- , Université Lyon 1
- [Découverte et approfondissements du langage R](#)
- , Groupe Lyon Calcul
- [Développement de packages en R](#)
- , ANF CNRS *R pour le calcul*

Jury

- Concours externe ENS (2021) - BAP A- IE - Ingénieur-e biologiste en traitement des données
- Concours externe INRA (2019) - Experte - BAP E - AI - Assistant-e statisticien-ne
- Concours externe INRA (2019) - BAP E - IE - Administrateur-trice des systèmes d'information
- Concours externe CNRS (2017) - Experte - BAP E - IE - Ingénieur-e en ingénierie logicielle - 2 postes

Encadrement

- Cassandra Bompard, stage M2, Développement d'un package R de visualisation (2023)
- Eliane Schermer, stage M2 et thèse, Modélisation en écologie (2015-2019)
- Luka Matsuda, stage L3, Bioinformatique, Statistique et Modélisation (2018)
- Adrien Bessy, stage M2, Bioinformatique (2015)